

Untersuchungsanforderung Molekulare Hämatopathologie

Patientendaten Familienname: Vorname: m/w: Geburtsdatum: SV-Nr.: Vers.: AZ/Fallzahl:	Einsenderangaben/Stempel Arzt/Ärztin: Klinik/Abteilung: Tel.Nr.: Unterschrift:
Gebührenklasse: <input type="checkbox"/> Allgemein <input type="checkbox"/> Sonderklasse	Behandlung: <input type="checkbox"/> stationär <input type="checkbox"/> ambulant

Datum/Zeit der Entnahme:

Untersuchungsmaterial: (Anzahl: Röhrchen, Blöcke, Schnitte, Sonstiges)

Paraffinmaterial: **Paraffinblock:** Dauer der Fixierung Std.
(Nummer des Blocks)

10% neutral gepuffertes Formalin (=4% Formaldehydlösung) **Andere Fixierung:**

EDTA-Blut (1x 6ml): (Leukozytenzahl)

EDTA-KM-Aspirat (1x 6ml)

Gesortete Zellen aus Blut

		Zellzahl	Reinheit %
<input type="checkbox"/> CD3+:			
<input type="checkbox"/> CD34+:			

Gesortete Zellen aus KM-Aspirat

		Zellzahl	Reinheit %
<input type="checkbox"/> CD34+:			

Sonstiges:

Pathologie

Eingangsdatum/-zeit

.....

E-Nr.
BARCODE

Klinische Diagnosen/Fragestellungen/Therapien:

Untersuchungen:

Myeloische Neoplasien

AML/MDN NGS Panelanalyse
 Gesamte kodierende Region von ANKRD26, BCOR, CEBPA, DDX41, DNMT3a, ELANE, ETV6, GATA2, HAX1, NF1, PHF6, PIGA, SF3B2, SFRP1, SRP72, STAG2, TP53, ZRSR2
 Mutationshotspots in NPM1, ASXL1, BRAF, CALR, CBL, CSF3R, CXCR4, ETNK1, EZH2, FLT3, IDH1, IDH2, JAK2, KIT, KRAS, MPL, NRAS, PTPN11, RUNX1, SETBP1, SF3B1, SRSF2, STAT3, STAT5B, TET2, U2AF1, WT1

Myeloproliferative Neoplasie NGS Panelanalyse (PV, ETH, PMF) inkl. JAK2, CALR, MPL, CSF3R

Mutationsanalysen einzelner Gene *

JAK2 Exon14 V617F (ddPCR)

KIT Exon17 D816V (ddPCR)

MRD (AML Minimal Residual Disease; qPCR):

NPM1

CBFβ::MYH11

RUNX1::RUNX1T1

Translokations- und Fusionsanalysen

BCR::ABL1 Mbc (Int. Scale*) BCR::ABL1 mbcr

Myeloid Fusion NGS Panel

AML Translokationen NGS Panel
 (CBFβ-MYH11, DEK-CAN_NUP214, DEK-NUP214, MLL-MLLT3, PML-RARA, RBM15-MKL1, RPN1-MECOM, RUNX1-RUNX1T1)

FIP1L1::PDGFRα

PML::RARα

Lymphome

CNV Kopienzahlveränderung

Lymphom NGS Panelanalyse

Mutationsanalysen einzelner Gene

MYD88 L265P, V217-S222, M232T, S243N

BRAF V600

TP53 gesamtes Gen **

Translokations- und Fusionsanalysen

Lymphoma Fusion NGS Panel

BCL1 BCL2::Immunglobulin-Schwerkettengen

Klonalitätsanalysen

Ig-Schwer- und Leichtkettengen-Rearrangement (IgH, Igκ/λ)

Ig-Schwerkettengen (IgH) Mutationsstatus (NGS)

T-Zell-Rezeptorgen-Rearrangement (TCRβ/γ)

Chimärismusanalyse

Material prätransplant (PRÄ-KMT)

Spendermaterial Nr.:

Material posttransplant (POST-KMT)

Tage nach KMT:

* quantitativ

** bei hämatologischer Fragestellung (CLL) Differentialblutbild erbeten

Der Patient / die Patientin wurde darüber informiert, dass der Befund an den Einsender bzw. die einsendende Abteilung retourniert wird und erklärt sich damit einverstanden