

Untersuchungsanforderung Molekulare Pathologie

Patientendaten Familienname: Vorname: m/w: Geburtsdatum: SV-Nr.: Vers.: AZ/Fallzahl:	Einsenderangaben/Stempel Arzt/Ärztin: Klinik/Abteilung: Tel.Nr.: Unterschrift:
Gebührenklasse: ☐ Allgemein ☐ Sonderklasse	Behandlung: ☐ stationär ☐ ambulant

Datum/Zeit der Entnahme:

Untersuchungsmaterial: (Anzahl: Röhrchen, Blöcke, Schnitte, Sonstiges)

☐ **Paraffinmaterial:** **Paraffinblock:** Dauer der Fixierung **Std.**
 (Nummer des Blocks)

☐ **10% neutral gepuffertes Formalin** (=4% Formaldehydlösung) ☐ **Andere Fixierung:**

☐ **EDTA-Blut** (1x 6ml): (Leukozytenzahl)

☐ **Plasma (Liquid Biopsy)** (Abnahme und Versandkriterien für Liquid Biopsy siehe „Handbuch für Einsender*innen“ auf der Homepage.)

☐ Erstdiagnose ☐ Progression ☐ stabil ☐ Remission

☐ **Sonstiges:**

Klinische Diagnosen/Fragestellungen:

Pathologie

Eingangsdatum/-zeit

E-Nr.
BARCODE

E-Nr.
BARCODE

Untersuchungen:

Gastrointestinale Neoplasien

- ☐ Colon NGS Panel (inkl. KRAS, NRAS, BRAF)
- ☐ GIST NGS Panel (inkl. KIT, PDGFRA, RAS, BRAF)
- ☐ Mikrosatelliteninstabilität (Lynch Syndrom, PD-L1 Therapie)
- ☐ MLH1 Promotor-Methylierung

Lungentumore

- ☐ Lunge NGS Panel (inkl. EGFR, ERBB2, BRAF, MET)
- ☐ Lunge Translokationen NGS Panel (ALK, RET, ROS, NTRK1-3)
- ☐ EGFR T790M droplet digital PCR

Melanome

- ☐ Kutanes Melanom NGS Panel (18 Gene)
- ☐ Uveales Melanom NGS Panel (18 Gene) + CNV

Gehirntumore

- ☐ Neuro NGS Panel (inkl. IDH1/IDH2)
- ☐ CNV Kopienzahlveränderung (inkl. 1p19q)
- ☐ MGMT Promotor-Methylierung
- ☐ BRAF Translokationen NGS

Knochen-, Weichteiltumore

- ☐ Knochen NGS Panel (inkl. GNAS, IDH1/2)
- ☐ Weichteil NGS Panel (inkl. KIT, GNAS, GNAQ, CTNNB1, BRAF)
- ☐ Sarkom Translokationen NGS Panel (inkl. EWSR1, NTRK1-3)

Liquid Biopsies*

- ☐ Lunge MolBar NGS Panel (inkl. EGFR T790M, ALK)
- ☐ Mamma MolBar NGS Panel (inkl. PIK3CA, ERBB2 Amplifikation)
- ☐ Melanom MolBar HotSpot NGS Panel (v. a. Liquid Biopsy)
- ☐ Pan-Cancer Cell-Free Assay (40 Hotspotgene, 12 Gene für Genfusionen)

Gynäkologische Tumore, Mamma-, und Prostatatumore

- ☐ Endometrium NGS Panel (inkl. POLD1, POLE, TP53)
- ☐ Mamma MolBar NGS Panel (inkl. **ESR1**, PIK3CA, ERBB2)

HRD:

- ☐ BRCA1/2 NGS Panel ** + Genomischer Instabilitäts Score (Standardauswahl Ovarialkarzinom)
- ☐ BRCA1/2 NGS Panel ** (Einzelanalyse)
- ☐ Genomischer Instabilitäts Score (GIS) (Einzelanalyse)
- ☐ HRR NGS Panel (26 HRR Gene + KRAS) **

Weitere Analysen

- ☐ TP53 NGS Panel (full coding)
- ☐ NGS Cancer Hotspot Panel (50 onkol. rel. Gene, inkl. IDH1/2)
- ☐ Kardiogenetik (TTR, LMNA, GLA) + **Einverständniserklärung****
- ☐ Leberadenome NGS Panel
- ☐ Urothelkarzinom (FGFR1-3)
- ☐ Oncomine Comprehensive Assay Plus DNA (500 Gene, inkl. **TMB**)
- ☐ Oncomine Comprehensive Assay Plus RNA (Fusionen in 49 Genen)
- ☐ Translokationen NGS Panel (ALK, FGFR2, RET, ROS, NTRK1-3)
- ☐ CNV Kopienzahlveränderung
- ☐ Methylierungsbasierte Tumorklassifikation (EPIC Array)

Stoffwechselerkrankungen (Typ 3 gemäß § 65 GTG)

- ☐ Hämochromatose (C282Y, H63D) + **Einverständniserklärung****
- ☐ Mb. Wilson (ATP7B H1069Q) + **Einverständniserklärung****

Chimärismusanalyse

- ☐ Gewebeidentifikation

* Hochsensitive Molecular Barcode NGS Panels zur Analyse von HotSpot Mutationen besonders auch für Liquid Biopsy.

** Bei Untersuchungen des Typs 2 und Typs 3 (Keimbahnanalyse) ist eine Einverständniserklärung erforderlich.